

Animal : **Araslan'Ru Una**

N° d'identification :	<b>900 215 006 836 429</b>	Propriétaire :	<b>Herve LEPAIRE</b>
Race :	<b>Maine Coon</b>	N° de prélèvement :	<b>E00886382</b> (prélevé le 12/01/2024)
Sexe :	<b>Femelle</b>	Code résultat :	<b>A00061350</b>
Date de naissance :	<b>04/06/2023</b>	Préleveur :	<b>Salome PETERS</b> (Vétérinaire - N° d'ordre : 30857)
Pedigree :			<b>Prélèvement authentifié</b>
Résultat établi le :	<b>26/01/2024</b>	Document établi le :	<b>26/01/2024</b>

MALADIES	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT	EXPRESSION	TRANSMISSION
Cardiomyopathie Hypertrophique (HCM-A)	MYBPC c.91G>C (A31P)	Autosomique dominant	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Déficiência en Pyruvate Kinase (PKDef)	PKLR c.693+304G>A	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Sensibilité Médicamenteuse MDR1	ABCB1 c.1930_1931delTC	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Atrophie Musculaire Spinale (SMA)	LIX1 140kb del, exons 4-6	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Cystinurie	SLC7A9 c.881T>A	Autosomique récessif	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Groupe Sanguin	CMAH c.268T>A ; c.179G>T ; c.1322delT ; c.364C>T	Autosomique récessif	<b>Sérotipe A, non porteur b (A/A)</b>		
Myopathie Myotubulaire	MTM1 c.455C>T	Récessif lié à l'X	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓
Polykystose Rénale (PKD)	PKD1 c.10063C>A	Autosomique dominant	<b>Homozygote normal</b>	✓	✓

Groupe sanguin - Les analyses génétiques reposent sur la détection de 4 mutations au sein du gène CMAH (Kehl 2018) et permettent de distinguer les 3 groupes sanguins du chat : A, B et AB. Une incompatibilité de groupe sanguin entre la mère et les chatons peut provoquer un empoisonnement des chatons (érythrolyse néonatale). Ce phénomène se produit lors de l'allaitement si la femelle est de groupe B (homozygote pour l'allèle b) et les chatons de groupe A ou AB : des anticorps anti-A contenus dans le colostrum de la mère passent dans la circulation sanguine des chatons provoquant l'érythrolyse néonatale.

EXPLICATIONS	EXPRESSION	TRANSMISSION
<b>Homozygote normal</b> : l'animal possède 2 copies normales du gène.	✓ L'animal ne développera pas la maladie associée à la mutation testée.	L'animal ne transmet pas la mutation testée.
<b>Hétérozygote</b> : l'animal possède une copie normale et une copie défectueuse du gène.	! L'animal développera la maladie sans pouvoir prédire l'âge d'apparition ni la gravité des symptômes.	L'animal transmettra la mutation testée à tout ou partie de sa descendance. La reproduction est à éviter ou à adapter selon la maladie et la fréquence associée.
<b>Homozygote muté</b> : l'animal possède 2 copies défectueuses du gène.		

Animal : **Araslan'Ru Una**

N° d'identification :	<b>900 215 006 836 429</b>	Propriétaire :	<b>Herve LEPAIRE</b>
Race :	<b>Maine Coon</b>	N° de prélèvement :	<b>E00886382</b> (prélevé le 12/01/2024)
Sexe :	<b>Femelle</b>	Code résultat :	<b>A00061350</b>
Date de naissance :	<b>04/06/2023</b>	Préleveur :	<b>Salome PETERS</b> (Vétérinaire - N° d'ordre : 30857)
Pedigree :			<b>Prélèvement authentifié</b>
Résultat établi le :	<b>26/01/2024</b>	Document établi le :	<b>26/01/2024</b>

Les résultats des caractères morphologiques ne permettent pas de déterminer précisément l'apparence de l'animal, mais vous informent sur leur transmission à la descendance.

## CARACTÈRES MORPHOLOGIQUES

	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT
Locus A - Agouti			<b>Robe unie (a/a)</b>
a	ASIP c.122_123delCA	Autosomique récessif	<b>a/a</b>
Locus B - Marron			<b>Noir (B/B)</b>
b	TYRP1 c.1261+5G>A	Autosomique récessif	<b>B/B</b>
b <sup>l</sup>	TYRP1 c.298C>T	Autosomique récessif	<b>B/B</b>
Locus C - Colour			<b>Non porteur (C/C)</b>
c <sup>s</sup>	TYR p.G302R	Autosomique récessif	<b>C/C</b>
c <sup>b</sup>	TYR c.715G>T	Autosomique récessif	<b>C/C</b>
c	TYR c.975delC	Autosomique récessif	<b>C/C</b>
c <sup>2</sup>	TYR c.1204C>T	Autosomique récessif	<b>C/C</b>
Locus D - Dilution			<b>Robe diluée (d/d)</b>
	MLPH c.83delT	Autosomique récessif	
Locus Ta - Tabby			<b>Patron blotched (Ta<sup>b</sup>/Ta<sup>b</sup>)</b>
Ta <sup>b1</sup>	LVRN c.2522G>A	Autosomique récessif	<b>Ta<sup>b</sup>/Ta<sup>b</sup></b>
Ta <sup>b2</sup>	LVRN c.176C>A	Autosomique récessif	<b>Ta<sup>m</sup>/Ta<sup>m</sup></b>
Ta <sup>b3</sup>	LVRN c.682G>A	Autosomique récessif	<b>Ta<sup>m</sup>/Ta<sup>m</sup></b>
Locus Ti - Ticked			<b>Non exprimé (ti/ti)</b>
Ti <sup>^</sup>	DKK4 c.188G>A	Autosomique dominant	<b>ti/ti</b>
Ti <sup>cK</sup>	DKK4 c.53C>T	Autosomique dominant	<b>ti/ti</b>
Longueur du Pelage			<b>Homozygote poil long</b>
M1	FGF5 c.ins356T	Autosomique récessif	<b>PC/PC</b>
M2	FGF5 c.406C>T	Autosomique récessif	<b>PC/PC</b>
M3	FGF5 c.474delT	Autosomique récessif	<b>PC/PC</b>
M4	FGF5 c.475A>C	Autosomique récessif	<b>pl/pl</b>
M5	FGF5 c.577G>A	Autosomique récessif	<b>PC/PC</b>

Animal : **Araslan'Ru Una**

N° d'identification :	<b>900 215 006 836 429</b>	Propriétaire :	<b>Herve LEPAIRE</b>
Race :	<b>Maine Coon</b>	N° de prélèvement :	<b>E00886382</b> (prélevé le 12/01/2024)
Sexe :	<b>Femelle</b>	Code résultat :	<b>A00061350</b>
Date de naissance :	<b>04/06/2023</b>	Préleveur :	<b>Salome PETERS</b> (Vétérinaire - N° d'ordre : 30857)
Pedigree :			<b>Prélèvement authentifié</b>
Résultat établi le :	<b>26/01/2024</b>	Document établi le :	<b>26/01/2024</b>

Les résultats des caractères morphologiques ne permettent pas de déterminer précisément l'apparence de l'animal, mais vous informent sur leur transmission à la descendance.

**CARACTÈRES MORPHOLOGIQUES**

	<b>GÈNE</b> Mutation	<b>Mode</b> d'expression	<b>RÉSULTAT</b>
Polydactylie			<b>Non porteur de polydactylie</b>
Hw	LMBR1 c.479A>G	Autosomique dominant à pénétrance incomplète	<b>Wt/Wt</b>
UK1	LMBR1 c.257G>C	Autosomique dominant	<b>Wt/Wt</b>
UK2	LMBR1 c.481A>T	Autosomique dominant	<b>Wt/Wt</b>

Animal : **Araslan'Ru Una**

N° d'identification :	<b>900 215 006 836 429</b>	Propriétaire :	<b>Herve LEPAIRE</b>
Race :	<b>Maine Coon</b>	N° de prélèvement :	<b>E00886382</b> (prélevé le 12/01/2024)
Sexe :	<b>Femelle</b>	Code résultat :	<b>A00061350</b>
Date de naissance :	<b>04/06/2023</b>	Préleveur :	<b>Salome PETERS</b> (Vétérinaire - N° d'ordre : 30857)
Pedigree :			<b>Prélèvement authentifié</b>
Résultat établi le :	<b>26/01/2024</b>	Document établi le :	<b>26/01/2024</b>

**MALADIES**

	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT	EXPRESSION	TRANSMISSION
Déficience en Facteur XI	F11 c.1546G>A	Autosomique récessif	<b>Hétérozygote</b>	✔	❗

EXPLICATIONS
<b>Homozygote normal</b> : l'animal possède 2 copies normales du gène.
<b>Hétérozygote</b> : l'animal possède une copie normale et une copie défectueuse du gène.
<b>Homozygote muté</b> : l'animal possède 2 copies défectueuses du gène.

EXPRESSION	TRANSMISSION
✔ L'animal ne développera pas la maladie associée à la mutation testée.	L'animal ne transmet pas la mutation testée.
❗ L'animal développera la maladie sans pouvoir prédire l'âge d'apparition ni la gravité des symptômes.	L'animal transmettra la mutation testée à tout ou partie de sa descendance. La reproduction est à éviter ou à adapter selon la maladie et la fréquence associée.